

Stát zaspal. Experti na virus proto zkoumají mutace vlastními silami

02. 03. 2021 seznamzpravy.cz str.0 sekce: Koronavirus
seznamzpravy.cz Akademie věd ČR

Skupina odborníků z vědeckých pracovišť a soukromých firem už nechce čekat na stát a začala vlastními silami sdílet analýzy vzorků s různými mutacemi koronaviru.

Jedna z věcí, kterou vláda během epidemie prokazatelně podcenila, je včasné odhalování jednotlivých mutací koronaviru.

Už před Vánocemi, kdy se začala po Evropě množit agresivnější britská mutace viru SARS-CoV-2, Seznam Zprávy upozornily, že resort zdravotnictví nemá zajištěný organizovaný sběr a podrobné zkoumání vzorků z celé republiky. Variantám nového koronaviru se průběžně věnovalo jen několik odborníků, kteří měli k dispozici vzorky z několika regionů.

Za poslední měsíce se situace o něco zlepšila, kvůli šíření britské mutace v Česku se začalo analyzovat více vzorků. Nějaký centrálně koordinovaný systém však stále chybí.

Expertům, kteří se zabývají biologickým výzkumem, mezitím došla trpělivost. Spojili se s cílem, aby se výsledky podrobného zkoumání vzorků soustředily na jednom místě a vznikl tak lepší přehled o tom, jaké varianty koronaviru se v tuzemsku objevily.

„V pondělí jsme měli společnou online poradou, spustili jsme už také první verzi webové stránky,“ řekl Seznam Zprávám jeden ze zakladatelů iniciativy Jan Pačes z Ústavu molekulární genetiky Akademie věd.

V první řadě jde o to, shromáždit na jednom místě výsledky tzv. sekvenování pozitivních vzorků neboli „přečtení“ kompletního genomu viru. Právě sekvenace umožňuje odhalit nové varianty viru a včas je zařazovat do nových linií.

Na stránce projektu <https://virus.img.cas.cz/> je zatím přehled více než 730 analyzovaných vzorků s jednotlivými variantami koronaviru, které čeští odborníci nasdíleli do mezinárodní databáze GISAID.

Vzorky jsou rozlišeny podle pohlaví, věku a místa, odkud pocházejí. Ze seznamu je například patrné, že britská varianta s označením B.1.1.7 se už na začátku ledna hojně vyskytovala na Trutnovsku, Náchodsku, ale i v Praze.

Kromě Jana Pačese a dalších jeho kolegů z Akademie věd na sdílení informací o viru spolupracují například vedoucí Národní referenční laboratoře pro chřipku a nechřipkovou respirační virovou onemocnění Helena Jiřincová, jejíž tým na Státním zdravotním ústavu provedl dosud nejvíce sekvenací, nebo viroložka Ruth Tachezy z Přírodovědecké fakulty Univerzity Karlovy, která působí ve vědeckém projektu BIOCEV.

„Hlavním cílem je vytvořit ve spolupráci s Akademií věd jednotný robustní tok pro bioinformatickou analýzu sekvenčních dat viru SARS-CoV-2, a generovat tak výsledky s vysokou kvalitou,“ zdůraznil Petr Brož, šéf společnosti Bioxsys, která se zabývá biostatistikou.

Soukromý sektor zastupuje také Petr Kvapil, šéf pražské firmy Institute of Applied Biotechnologies, který tým odborníků s přístupem k potřebným technologiím přirovnal k „elitním agentům“. Podle něj je ale nezbytné, aby se projektu ujal i stát.

„Celý projekt musí strategicky definovat stát – jinak není možné zajistit systematický sběr vzorků a výběr ‚horkých‘ lokalit. A v neposlední řadě musí stát také vyčlenit pro projekt finance. Bez jeho součinnosti budeme v testování, vakcinaci i monitorování epidemické situace napůl slepí,“ uvedl Kvapil.

autor: Tomáš Pergler

Kontakty:

Vedoucí týmu

Mgr. Jan Pačes, Ph.D.,

tel.: 296 443 446, e-mail: <mailto:jan.paces@img.cas.cz>,

web: www.img.cas.cz/vyzkum/michal-kolar/

Kontakt pro média

Ing. Martin Jakubec, Ph.D.,

tel.: 296 443 159, e-mail: m.jakubec@img.cas.cz

Zdroj:

<https://www.seznamzpravy.cz/clanek/stat-zaspal-experti-na-virus-proto-zkoumají-mutace-vlastními-silami-145091>